**DNA-Modell**

(Wiederholung aus der Mittelstufe)

**6 Bausteine:**

**T**

**T**

**A**

**G**

**C**

**D**

Zucker:

Desoxyribose Phosphat Adenin Thymin Guanin Cytosin

Kernbasen

**Mengenverhältnisse:**

Zucker : Phosphat : Kernbase =

Strickleiter-Modell der DNA:

Zucker + Phosphat + Kernbase =

**D**

**D**

**D**

**D**

**T**

**T**

**Die Basen-Sequenz**

= \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_

Bedeutung: \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_

\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_

**D**

**G**

**C**

**T**

**A**

**D**

**D**

**G**

**C**

**T**

**A**

**D**

**Erwartungshorizont:**

**DNA-Modell**

(Wiederholung aus der Mittelstufe)

**6 Bausteine:**

**T**

**T**

**A**

**G**

**C**

**D**

Zucker:

Desoxyribose Phosphat Adenin Thymin Guanin Cytosin

Kernbasen

**Mengenverhältnisse:**

Zucker : Phosphat : Kernbase = 1 : 1 : 1

Strickleiter-Modell der DNA:

Zucker + Phosphat + Kernbase = das Nukleotid, -e

Holm Sprossen Holm

**D**

**D**

**D**

**D**

Der „Reiß-verschluss-Zipper“ trennt die Wasserstoff-brücken.

die Abfolge der Nukleotide (Kernbasen)

Mit 4 Zeichen in linearer Abfolge wird die

Erbinformation verschlüsselt.

**T**

**T**

**Die Basen-Sequenz**

= \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_

Bedeutung: \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_

\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_

**D**

**G**

**C**

**T**

**A**

**D**

**D**

**G**

**C**

**T**

**A**

**D**